

dzień aplikacyjny

17.04.2024 // spotkanie

9:30-15:00 // budynek D Wydziału Biologii i Ochrony Środowiska
ul. Pomorska 141/143, wejście od ulicy Jana Matejki

09:00-9:50
REJESTRACJA i kawa "na start"

9:50-10:00
WPROWADZENIE
Marta Dyjak, dr,
Kierownik Działu FAS Analityk Genetyka
Juliusz Unrug, dr,
Kierownik Działu Marketing / Market Access Analityk Genetyka

10:00-10:20
Michał Seweryn, dr,
Centrum Analiz, Modelowania i Nauk Obliczeniowych, Pracownia Biobank, Uniwersytet Łódzki
Metody uczenia maszynowego w analizie danych NGS

10:20-10:40
Michał Grabowski, prof. dr hab.,
Katedra Zoologii Bezkręgowców i Hydrobiologii Uniwersytet Łódzki
U progu trzeciej dekady (meta)barkodingu DNA: od idei do praktyki

10:40-11:00
Michał Ronikier, dr hab.,
Grupa Bioróżnorodności i Ewolucji, Instytut Botaniki PAN, Kraków
Dno i dwa metry mułu? O wykorzystaniu DNA w rekonstrukcji historycznych zmian środowiska

11:00-11:20
Zuzanna Nowak,
Zespół Genomiki i Ewolucji Eksperymentalnej Uniwersytet Jagielloński
Inversion rich genomes in bark beetles

11:20-11:50
PRZERWA KAWOWA

11:50-12:10
Błażej Marciniak, mgr inż.,
Pracownia Biobank, Uniwersytet Łódzki
Węzeł Krajowy Europejskiego Archiwum Genomów



ANALITYK
GENETYKA



AGENDA



dzień aplikacyjny

17.04.2024 // spotkanie

9:30-15:00 // budynek D Wydziału Biologii i Ochrony Środowiska
ul. Pomorska 141/143, wejście od ulicy Jana Matejki

12:10-12:30

Anna Wierzbicka-Woś, dr,
Kierownik Laboratorium Badawczo-Rozwojowego Sanprobi, Szczecin
Zastosowanie sekwencjonowania NGS w badaniu mikrobiomów

12:30-12:50

Alina Minias, dr,
Pracownia Genetyki i Fizjologii Mycobacterium, Instytut Biologii
Medycznej PAN, Łódź
NGS w diagnostyce i epidemiologii gruźlicy

12:50-13:50

LUNCH

13:50-14:10

Katarzyna Balon,
Laboratorium Genomiki i Bioinformatyki Instytut Immunologii i Terapii Doświadczalnej PAN, Wrocław
Wykorzystanie technik wysokoprzepustowego sekwencjonowania do identyfikacji potencjalnych off-targetów podczas użycia edytorów par zasad

14:10-14:30

Katarzyna Bąbol-Pokora, dr n. med.,
Pracownia Immunopatologii i Genetyki, Medyczne Laboratorium
Onkologii i Hematologii Dziecięcej Oncolab im. WOŚP, CSK UM w Łodzi
WES kontra panel, czyli w poszukiwaniu optymalnego narzędzia do diagnostyki wrodzonych błędów odporności

14:30-14:50

Lena Rutkowska, mgr,
Zakład Genetyki Instytutu Centrum Zdrowia Matki Polki
Analiza podłoża genetycznego wybranych dyslipidemii pierwotnych przy użyciu panelowego NGS z uwzględnieniem zmian liczby kopii

14:50-15:00

PODSUMOWANIE

Marta Dyjak, dr,
Kierownik Działu FAS Analityk Genetyka
Juliusz Unrug, dr,
Kierownik Działu Marketing / Market Access Analityk Genetyka



AGENDA

